

Figure 1A

```
1
SEQ ID NO:2 1-----60
SEQ ID NO:4 1-----60
SEQ ID NO:6 1-----60
SEQ ID NO:8 1-----60
SEQ ID NO:10 1-----60
SEQ ID NO:11 1-----60
SEQ ID NO:12 1-----60

61
SEQ ID NO:2 61-----120
SEQ ID NO:4 61-----120
SEQ ID NO:6 61-----120
SEQ ID NO:8 61-----120
SEQ ID NO:10 61-----120
SEQ ID NO:11 61-----120
SEQ ID NO:12 61-----120

121
SEQ ID NO:2 121-----180
SEQ ID NO:4 121-----180
SEQ ID NO:6 121-----180
SEQ ID NO:8 121-----180
SEQ ID NO:10 121-----180
SEQ ID NO:11 121-----180
SEQ ID NO:12 121-----180
```

Figure 1B

```
181      240
SEQ ID NO:2  -----FPDASEVQELVRTKGLFSFYEDGHQECCRVKVRPLRRALKGLRAWITGQRKDQ
SEQ ID NO:4  --TRYMFPDAIVVQGLVRTKGLFSFYEDGHQECCRVKVRPLRRALKGLRAWITGQRKDQ
SEQ ID NO:6  IHIEYMFPPDAVEVQALVRTKGLFSFYEDGHQECCRVKVRPLRRALKGLKAWITGQRKDQ
SEQ ID NO:8  IRIEYMFPPDAVEVQALVRSKGLFSFYEDGHQECCRVKVRPLRRALKGLRAWITGQRKDQ
SEQ ID NO:10 IHIEYMFPEASEVQDLVRSKGLFSFYEDGHQECCRVKVRPLRRALKGLKAWITGQRKDQ
SEQ ID NO:11 IHIEYMFPPDAVEVQALVRSKGLFSFYEDGHQECCRVKVRPLRRALKGLRAWITGQRKDQ
SEQ ID NO:12 IRIEYMFPPDSVEVQGLVRSKGLFSFYEDGHQECCRVKVRPLRRALKGLKAWITGQRKDQ

241      300
SEQ ID NO:2  SPGTRASIPVQVDPSPFEGLDGGAGSLVKWNPVANVXGKDIWTFRLTMDVPVNTLHAQGY
SEQ ID NO:4  SPGTRSEIPVVQVDPSPFEGLVGGESLVKWNPLANVDGRDVWNFLRAMNVPVNALHSQGY
SEQ ID NO:6  SPGTRSEIPVQVDPVFEGLDGGIGSLVKWNPVANVNGLDIWNFLRTMNVVNSLHSQGY
SEQ ID NO:8  SPGTRSEIPVVQVDPAPFEGMDGGIGSLVKWNPVANVKGHDIWNFLRTMNVVNSLHAKGY
SEQ ID NO:10 SPGTRASIPVVQVDPSPFEGLDGGAGSLIKWNPVANVDGKDIWTFRLTMDVPVNTLHAQGY
SEQ ID NO:11 SPGTRSEIPVVQVDPVFEGMDGGVGSVLKWNPPVANVEGKDIWNFLRAMDVPVNTLHSQGY
SEQ ID NO:12 SPGTRSEIPVVQVDPVFEGLDGGVGSVLKWNPPVANVEGNDVMNFLRTMDVPVNTLHAAGY

301      360
SEQ ID NO:2  VSIGCEPCTRPVLPQHEREGRWWWEDAKAKECGLHKGNIKDQAQAA-----APRSANGN
SEQ ID NO:4  VSIGCEPCTRPVLPQHEREGRWWWEDAAAKECGLHKGNIKDAN-----GNGVAQAEGGE
SEQ ID NO:6  VSIGCEPCTRPVLPQHEREGRWWWEDAKAKECGLHKGNIKQEDAAQLNGNGTSQNGNSA
SEQ ID NO:8  VSIGCEPCTRPVLPQHEREGRWWWEDAKAKECGLHKGNIKQKEEDVNGNGLSQSHANG
SEQ ID NO:10 VSIGCEPCTRPVLPQHEREGRWWWEDATAKECGLHNGNIDKEGQAPK----VGVNGNGS
SEQ ID NO:11 VSIGCEPCTRPVLPQHEREGRWCWEDAKAKECGLHKGDIKEGT-----LIWDGAVNGN
SEQ ID NO:12 VSIGCEPCTKAVLPQHEREGRWWWEDAKAKECGLHKGNVKENSDD-----AKVNGE
```

Figure 1C

361	SEQ ID NO:2	GSAGAPDIFESPAVVSLTRTGIENTLLRLLENRAEPWLVLVYAPWCPFCQAMEASVYVELAEK	420
	SEQ ID NO:4	GTVTDADIFESKNVVTLSRSGIENTLSKLQERKEPWIIVLYAPWCQFCQGMKESYLELAEK	
	SEQ ID NO:6	- - - TVADIFISQNVVLSRSGIENTLAKLENRKEHWLVLYAPWCRFCQAMEESYVDLAEK	
	SEQ ID NO:8	DATTVPDIFNSPNVNLSTRGTGIENTLAKLEDKEPWLVLVYAPWCPYCQAMEESYVDLADK	
	SEQ ID NO:10	AEASAPDIFQSQAIVNLTRPGIENTLLRLLENRAEPWLTVLYAPWCPYCQAMEASVYVELAEK	
	SEQ ID NO:11	GSDTIADIFDTNNVTSLSRPGIENTLLKLEERREAWLVLYAPWCRFCQAMEGSYLELAEK	
	SEQ ID NO:12	SKSAVADIFKSENLVTLSTRQGIENLMKLENRKEPWIIVLYAPWCPFCQAMEASYDELADK	
421	SEQ ID NO:2	LA - - GSGVKVAKFRADGEQKPFQAQELQLQSFPTVLLFPGRTPARP - IKYPSEKRDVDSLL	480
	SEQ ID NO:4	LAVSGGVKVGKFRADGAKEFAHQELQLGSPFTILFFPKHSSKA - IKYPSEKRDVESLL	
	SEQ ID NO:6	LA - - RSGVKVAKFRADGEQKEYAKSELQLGSPFTILLFPKHSSQP - IKYPSEKRDVDSLT	
	SEQ ID NO:8	LA - GSTGMKVGKFRADGEQKEFAKSELQLGSPFTILFFPKHSSRPITIKYPSEKRDVDSLM	
	SEQ ID NO:10	LS - - GSGIKVAKFRADGEQKPFQAQELQLQSFPTILLFPGRTVKP - IKYPSEKRDVQSLI	
	SEQ ID NO:11	LA - - GSGVKVGKFKADGDQKAFQAQELQLNSSPTILFFPKHSSKP - IKYPSEKRDVDSLM	
	SEQ ID NO:12	LA - - GSGIKVAKFRADGDQKEFAKQELQLGSPFTILVFPKNSSRP - IKYPSEKRDVESLT	
481	SEQ ID NO:2	AFVNSLR	487
	SEQ ID NO:4	AFVNALR	
	SEQ ID NO:6	AFVNALR	
	SEQ ID NO:8	AFVNALR	
	SEQ ID NO:10	AFVNSLR	
	SEQ ID NO:11	AFVNALR	
	SEQ ID NO:12	SFLNLVR	